



遺伝統計学のプロがおこなう 次世代シーケンサーの データ解析

次世代シーケンサー
によって
高速かつ大量の
塩基配列解析が可能に



問題は
膨大な配列データを
正しく処理し
解析する方法…

スタージェンは
遺伝統計学の
ノウハウを活かし
お客様のニーズに
最も適したデータ解析を
ご提案します



次世代シーケンサーデータの情報解析を、バイオインフォマティクス、遺伝統計学、分子進化学の専門技術を用いましてお手伝いします。

1. 全ゲノムシーケンシングデータ解析、全エクソンシーケンシングデータ解析等のNGSデータ解析、および遺伝統計学、分子進化学に基づく高度のデータ解析
2. 単一遺伝子形質（メンデル型遺伝病など）の原因変異探索
3. がんゲノムデータ解析（変異解析、コピー数変異解析、構造変異解析、mutational signature解析、neoantigen探索など）
4. データ解析パイプライン・データ解析環境の構築

お問い合わせ

株式会社スタージェン 情報解析事業部

〒111-0051 東京都台東区蔵前4-11-6 KUGAビル8F
TEL 03-5835-2137, 2138 FAX 03-5835-2139
E-mail info@stagen.co.jp URL <http://www.stagen.co.jp>

1. 受託解析事業……連鎖解析、ゲノムワイド関連解析、次世代シーケンサー解析、医療統計解析等のデータ受託解析、SOP準拠の統計解析
2. 研究支援事業……統計相談（研究デザイン、論文作成支援）、研究計画書作成支援
3. 教育事業……遺伝統計学・数理統計学講義
4. システム開発事業……ゲノム研究・臨床研究に必要なシステム構築、アルゴリズム作成