



neoantigen探索

- がん細胞に生じたsomatic変異を検出し, がん細胞に特徴的な変異ペプチドのパターン(neoantigen signature)を同定します。
- MHCクラスI/II分子との親和性予測, 既知エピトープとのホモロジー探索, T細胞受容体との結合・相互作用予測をおこない, neoantigen候補を絞り込みます。
- neoantigen signatureを用いた患者層別化や予後解析等も可能です。